Foro Internacional

"La Biotecnología Moderna en el sector agrario: Oportunidades y desafíos"

VERIFICACIÓN DE LA PRESENCIA DE CULTIVOS DE MAÍZ TRANSGÉNICO EN EL VALLE DE BARRANCA



COMPONENTE REGULACIÓN DE LA SEGURIDAD DE LA BIOTECNOLOGÍA AGRARIA

INSTITUTO NACIONAL DE INNOVACIÓN AGRARIA

18 de junio del 2010





1. Posible presencia de cultivos de maíz GM en el Perú.

INVESTIGADORA DE UNIVERSIDAD AGRARIA DE LA MOLINA HACE REVELACIÓN

En el valle de Barranca ya existen cultivos transgénicos

la aprobación de una normativa para la regulación del tema

Si uno observara un inmenso campo de cultivos de maíz amarillo duro, no podría determinar cido sobre la base de semillas ge néticamente modificadas (producto transgénico) o naturales es decir, aquellas que no han sido intervenidas con tecnología.

Por esta misma razón, un equipo de la Universidad Agraria de La Molina, encabezado por la catedrática Antonietta Gutiérrez



tomó 42 muestras de maíz ama-rillo duro del valle de Barranca rangencia en un valle de Lima. ¿Y en el resto del país? Es una pregunta para el Ministerio de Agricultura.

ternacional de Cartagena sobre Bioseguridad, que fue ratificado por Perú v que también demanda

stamente, Gutiérrez fue lan gociadora y representante del Perú ante las rondas de este proto-, entre 1996 y el 2000. Actualnente, es profesora de genética v de biotecnología vegetal de La Mo-lina. El ecólogo Antonio Brack Egg respaldó el profesionalismo y la solicitud de la científica. "Si Anto-nietta Gutiérrez afirma eso, es verdad sobretodosi ha bechoelanáli. cesario rastrear cómo llegaron esas emillas al valle de Barranca.

ATADOS DE MANOS

zación, el INIA indicó que ellos nan solicitado al Ministerio de Agricultura la aprobación del remento de la ley, cuya propues-encuentra redactada.

Además, solicitaron que se presente un proyecto de ley para que el INIA no solo tenga faculNUEVO BENEFICIO

Autos a GLP no pagarían aranceles

■ Gobiemo estudia medida para incentivar importaciones y acelerar

Con la finalidad de reducir el núero de vehículos petroleros del arque automotor, el Gobierno que funcionen a gas natural y gación de vehículos nuevos que tenan el sistema dual de gas licuado de petróleo (GLP) y gasolina. Con esta medida, se espera

obertura de GLP en provincias, ya que hasta el momento no lle-ga el gas natural. "Para nosotros, la prioridad es incentivar el consumo del gas natural; sin embargo, sabemos que el GLP es el sustituto tad regulatoria sino que también alternativo a los combustibles caros como el petróleo y las gasoli Jorge Alcántara, especialista en nas", indicó una fuente del Minis

17/11/07:

•De las 42 muestras de grano de MAD de Barranca, 14 resultaron positivas.

•Se detectan 2 eventos: NK603 (Tolerancia al herbicida Glifosato) y el Bt11 (Resistencia a insectos)

13/07/09:

- •319 muestras de granos de MAD "Importados y Nacionales" de Lambayeque, La Libertad, Ancash y Lima.
- Presencia de transgénicos en muestras del valle de Jequetepeque 60%, Barranca 62%, Chepén 25% y Gallito Ciego 32%.
- •Se detectan 3 eventos: MON863, NK603 y T25.

El Comercio EN CAMPAÑA ► UNA AMENAZA PARA LA SALUD

Los transgénicos se acercan más

muestras de granos Se analizaron granos importados La investigación contempló el análisis de 319 muestras de granos de meiz amarillo duo importado y cosachado: en más de la militar de los casos se helló meitr de maíz importados y nacionales

II Universidad Agraria realizó investigación en productos de cinco valles del Perú

más cerca de lo que creemos: los ngerimos ignorando su naturaleza. Una investigación realizada canzada a fines de mayo último (Minag) revela precisamente ansgénico de uno de los productos más consumidos en el país –el maíz amarillo duro– se expande silenciosa e ilegalmente pesar de que la actual legislación prohíbe el ingreso, producción v comercialización de estos pro-

Duranteel 2008 ladoctora Antonieta Gutiérrez-Rosati, bióloga



de reglamento

Instituto Nacional de Innova-

ción Agraria (INIA). "el infor-me presentado por la doctora

Gutiérrez-Rosati focaliza su

nvestigación en granos que

fueron 'muestreados' en pun tos de acopio. Al mezclarse los sechas nacionales hay proba bilidad de identificar la preser cia de eventos transgénicos" Ante esta denuncia, el INIA ostlene que están validando do los primeros contactos cor del gobierno regional y la Di-Barranca, v se han adquirido les de laboratorio".

En tanto, Susi Salazar, in geniera agrónoma del Minag. de maiz amarillo duro ingresar al territorio peruano no se realiza ninguna evaluación previa porque no se cuenta con un

1. Posible presencia de cultivos de maíz GM en el Perú.

PRESENCIA DE MAÍZ TRANSGÉNICO EN BARRANCA

13° Congreso Latinoamericano de Genética

VI Congreso Peruano de Genética

"RECURSOS GENÉTICOS LATINOAMERICANOS: VIDA PARA LA VIDA"

INVESTIGACIONES SOBRE LA PRESENCIA DE TRANSGENES EN PERÚ:

CASO MAÍZ (Zea mays L.)

Gutiérrez-Rosati, A.; Poggi, P.D.; Gálvez, G.M.; Cáceres, R.R.

Universidad Nacional Agraria La Molina, Departamento de Biologia, Avenida La Molina S/N; antonietta@lamolina.edu.pe

Ü	IVI ZZ	Darranca
10	M 24	Barranca
11	M 28	Barranca
12	M 29	Barranca
13	M 30	Barranca

22	IVI 40	Dananca
23	M 50	Barranca
24	M 52	Barranca
25	M 53	Barranca

Las muestras fueron tomadas luego del acopio de las cosechas en las zonas de producción de maíz amarillo duro en Barranca. Se muestreo al azar, por succión, en cinco zonas del lote de acopio, de aproximadamente 30 Tm. Cada succión extrajo cinco kilos de muestra, formando una muestra compuesta de 25 kilos, la cual luego de ser homogenizada se separó un kilo para ser remitida al laboratorio.

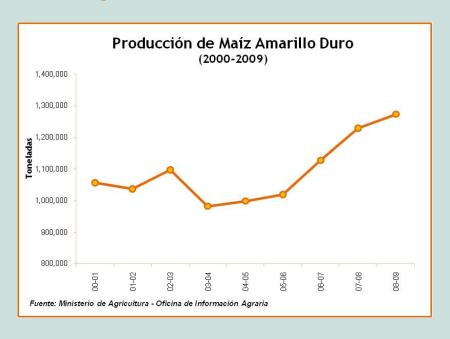
- •De las 25 muestras analizadas, 14 fueron positivas.
- •2 eventos: NK603 (Tolerancia al herbicida Glifosato) y el Bt11 (Resistencia a insectos).
- •Muestreo en 5 zonas del lote de acopio (30 Tm).

¿SON GRANOS DE PRODUCCIÓN NACIONAL O SON IMPORTADOS?



2. La demanda de maíz amarillo duro en el Perú

¿CUÁNTO SE PRODUCE?

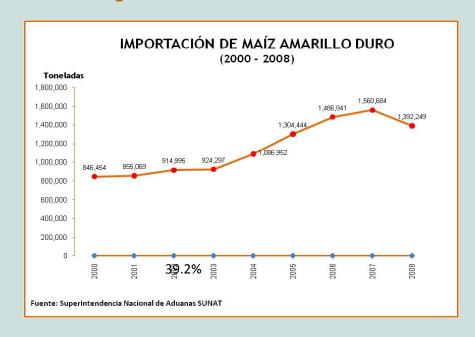


2000-2001: 1,056,981

2008-2009: 1,273,298

Incremento del 20.47%

¿CUÁNTO SE IMPORTA?



2000: 846,454

2008: 1,392,249

Incremento del 64.48%

1Bio 47.77%

52.23%



2. La demanda de maíz amarillo duro en el Perú

¿DÓNDE SE PRODUCE?

20.47%

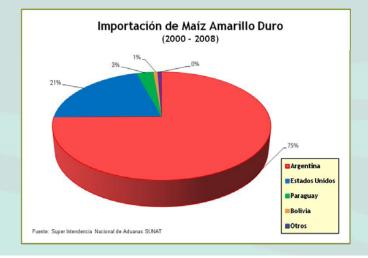
REGIÓN	PRODUCCIÓN (promedio anual)
Lima	214,642
La Libertad	194,455
San Martin	128,785
Lambayeque	98,147
Ancash	83,233
Ica	66,685
Cajamarca	64,020
Loreto	63,007

2.46%

REGIÓN	SUPERFICIE (Ha)
San Martin	63,219
Loreto	31,812
Lima	26,499
La Libertad	26,042
Cajamarca	21,134
Lambayeque	19,548
Piura	17,148
Ancash	17,194

¿DE DONDE SE IMPORTA?

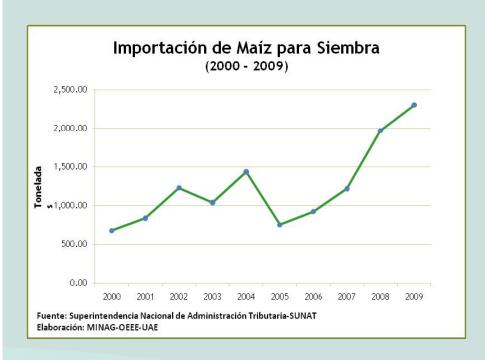






2. La demanda de maíz amarillo duro en el Perú

¿CÓMO SE PRODUCE?





2000-2001: 680.17

2008-2009: 2,303.96

Incremento del 238.73%





3. La variabilidad genética de maíz en el Perú

RACES OF MAIZE IN PERU THEIR ORIGINS, EVOLUTION AND CLASSIFICATION

Alexander Grobman, Wilfredo Salhuana and Ricardo Sevilla in collaboration with Paul C. Mangelsdorf

Publication 915
NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES—
NATIONAL RESEARCH COUNCIL
Washington, D. C.
1961

DESCRIPTION OF EXISTING RACES

141

TABLE 9. Classification of Modern and Some Archaeological Races of Maize in Peru Based on Approximate Chronology of Appearance and on Geographical Distribution (Continued).

Coast	Sierra	Selva
	LATELY DERIVED RACES	
Modern	Modern	Modern
Arequipeño	San Geronimo-Huancavelicano	Marañon*
Huachano	Marañon*	Chimlos
Chancayano	Cuzco Gigante	
Perla	-	
Rienda		
	INTRODUCED RACES	
Pardo		Aleman
Arizona		Chuncho
Cuban Yellow Dent.		Cuban Yellow Dent
	INCIPIENT RACES	
Jora	Morocho Cajabambino	
Coruca	•	
Colorado		
Chancayano Amarillo		
Morado Canteño		
I	MPERFECTLY DEFINED RACE	ES
Tumbesino	Ajaleado	Perlilla*
	San Geronimo	
	Sarco	
	Perlilla*	

*Indicates that this race overlaps the transition area between the two regions where it is listed.

Descripción de 49 razas de maíz existentes en el país





3. La variabilidad genética de maíz en el Perú

Nicholson (1958), published a brief, but accurate description of a number of the types of maize and their distribution in Peru, based on his own studies and collections from 1946 to 1950.

Maize collections were made by Collins about 50 years ago, and by Richey and Emerson in 1924; the latter material yielded considerable data for the genetic studies of Emerson and his students.



Fig. 48. Confite Morocho (Aya. 20 left, Aya. 4 center and right). This popcom is a living relic of an ancient Central Andean race. Proto-Confite Morocho, from which most of the South American com races are descended. This and all the following figures showing typical ears of the described races are reproduced three fourths natural size.

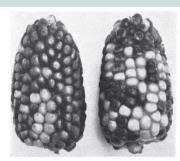


Fig. 65. Confite Puneño (Pun. 2 and 3); representative ears. Mosaic patterns on the kernels are often found in this race. It is grown in the highest altitudes, around Lake Titicaca, and has the shortest plants, among Peruvian corn races.

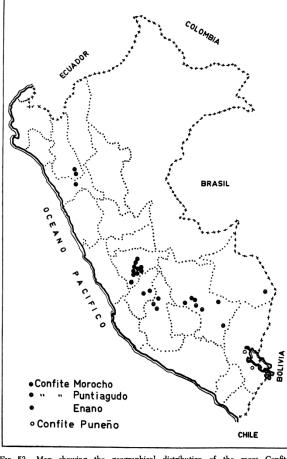


Fig. 53. Map showing the geographical distribution of the races Confite Morocho, Confite Puntiagudo, Confite Puneño, and Enano.

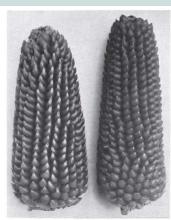


Fig. 54. Confite Puntiagudo (Cuz. 152). This primitive popcorn is grown in the middle to high elevations of the Andes from southern Colombia to northern

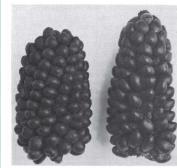


Fig. 60. Kculli (Cuz. 108). This race has small ears with characteristic clustered arrangement of large, rounded kernels with



3. La variabilidad genética de maíz en el Perú

Razas	Costa	Sierra	Selva
		Confite Morocho	Enano
Razas Primitivas		Confite Puntiagudo	
Razas Fillilitivas		Confite Puneño	
		Kully	
	Mochero	Chullpi	Sabanero
	Alazan	Huayleño	Piricinco
	Pagaladroga	Paro	
	Rabo de Zorro	Morocho	
	Chapareño	Huancavelicano	
Razas Derivadas de las	Iqueño	Ancashino	
Primeras		Shajatu	
		Piscorunto	
		Cusco Cristalino Amarillo	
		Cusco Blanco	
		Granda	
		Uchuquilla	
	Huachano	San Gerónimo	Chimlos
Razas de Segunda Derivación	Chancayano	San Gerónimo Huancavelicano	Marañon
Derivacion		Cusco Gigante	
		Arequipeño	
	Pardo		Alemán
Razas Introducidas	Arizona		Chuncho
	Colorado		Cuban Yellow
	Jora	Morado Canteño	
	Coruca	Morocho Cajabambino	
	Chancayano Amarillo	Amarillo Huancabamba	
Razas Incipientes	Tumbesino	Allajara	
-	Morochillo	Huarmaca	
		Blanco Ayabaca	
		Huanuqueño	
Razas No Definidas		Sarco	Perlilla

•1 Especie

Zea mays

(Tripsacum australe,

Grobman en 1967).

•51 razas de maíz

(Fuente: CONAM, 2005)

55 razas de maíz

(Fuente: web UNALM)



Fuente: http://www.lamolina.edu.pe/investigacion/programa/maiz/proyectos.htm#a1

4. La variabilidad genética de maíz en México

Genero	Especie	Nombre	Raza	
		Infraespecie		
			Amarlino Ama	2 100 13 14 76 1
			Bandto Bando de Sonora Borto Borta Carahuar etue Carmen	14 76 1 22 16 23 243 36
			Ceaya Chaiqueño Chapaiste Cavilio	272 357 2 6 94 3
			Comitacio Comparjo Chihuahua Buanco Comparjo Semano Jarlaco Conerjo Contico	94 9 2 6 493
	mays		Contco Hortefo Cosconarspec Ortsa the Orthubua Buictio dei Horceze Bat-Iscai	1
		mays	Elotes Contros Elotes Contdensies Fazitado Gondo Harthoso de Otho	80 294 122 4 - 122 123 124 134 145 145 145 145 145 145 145 145 145 14
Zea			Jaio Lady Finger Marz Duice Marzon	19 3 22
			Wushito Hair Teil HD Operline Operline	106 106 1,733 124
			Onaverio Palomeno Pepitilia Reventador	31 32 124 62
			SanJuam Tabolius Taboretiuo Taboretiuo Pena Tehus	236 (28
			Tepectruse Tunicasa Tuspeño Tuspeño Horseño Nandeño	8 64 1 769 21 91
			timenta i Zamorano Ameriko Zapakote Onto Zapakote Grande	17 109 13
		mexicana	Vacto Charco Mess Central 40 Nachosame Nacio	1,392 33 36 10 1,396
		parviglumis	Rassas Vado	1 (2) (Q) 44
	perennis	Vade.	40 Vado	47
	diploperennis	Vado.	Vade.	97

•3 Especies

Zea mays

Zea perennis

Zea diploperennis

- •3 Sub especies Zea mays
 - mays
 - mexicana
 - parviglumis
- •61 razas locales





Fuente: http://www.conabio.gob.mx/conocimiento/cgi-bin/siovm_pdf.cgi?idgenero=20919&genero=Zea

5. Posible presencia de transgenes en cultivares nativos.

Absence of detectable transgenes in local landraces of maize in Oaxaca, Mexico (2003–2004)

S. Ortiz-García*, E. Ezcurra*†, B. Schoel‡, F. Acevedo§, J. Soberón§¶, and A. A. Snow||**

*Instituto Nacional de Ecología, Secretaría del Medio Ambiente y Recursos Naturales, Avenue Periférico Sur 5000, Colonia Insurgentes Cuicuiko, Delegación Coyoacán, 04530 México D.F., Mexico; †Genetic ID North America, Inc., Fairfield, IA 52556; †Comisión Nacional Para el Conocimiento y Uso de la Biodiversidad en México, Avenida Liga Periférico-Insurgentes Sur 4903, Colonia Parques del Pedregal, Delegación Tialpan, 14010 México, D.F., México; and Department of Evolution. Ecology, and Organismal Biology. Ohio State University. Columbus. OH 43210

Edited by Barbara A. Schaal, Washington University, St. Louis, MO, and approved June 21, 2005 (received for review April 22, 2005)

METODOLOGÍA DE MUESTREO: Ortiz-García et al., 2005

Muestrear el *mayor número* de semillas (103 620) provenientes de *muchas* plantas (>706) de maíz no relacionadas (provenientes de 1-5 campos de cultivo/localidad) para estimar las frecuencias (y su distribución) locales de los transgenes.

HIPÓTESIS

Cómo hubo una denuncia de contaminación de los cultivares reportado el 2001 es posible la presencia de trangenes.

5. Posible presencia de transgenes en cultivares nativos en Mexico.

Investigación (Año de muestreo)	Estado	Sitios de muestreo	Muestras (N)	Tipo de m ues tra	Método de detección	Localidades positivas (ELISA) ^a	Localidades positivas PCR (35S)	Muestras positivas PCR (35S)
Quist and Chapela. 2000	Oaxaca	3	7	semillas	PCR / iPCR		1 (3/3)	0.714 (5/7)
Quist and Chapela. 2000	Oaxaca	3	7	semillas	DNA-DNA		1 (3/3)	0.714 (5/7)
INE-CONABIO. 2001	Oaxaca, Puebla	23	1876	plántulas	PCR		0.913 (21/23)	0.069 (130/1876)
Álvarez, 2002, 2003. SAGARPA-CIBIOGEM- CONABIO-INE, CIMMYT, CINVESTAV. 2001	Oaxaca, Puebla	Submuestra (29 de 279)	680 de 29 sitios de la submuestra	Hojas/ semillas/ plántulas	ELISA/ Western blot/ PCR/ Southern blot	0.7586: 22/29	0.4483: 13/29	-
INE-CONABIO. 2002	Jalisco	32	NC	Hojas	NR	0: 0/32	0: 0/32	NR
INIFAP. 2002	Oaxaca	162	NR	Semilla	ELISA/ Western blot/ PCR/ Southern blot	-	0.0309: 5/162	
Comunidades campesinas. 2003. CECCAM, CENAMI, Grupo ETC, CASIFOP, UNOSJO, AJAGI	Chihuahua, Morelos, Durango, Mexico, San Luis Potosi, Puebla, Oaxaca, Tlaxcala, Veracruz	138	2000	Hojas	ELISA kits	0.2391: 33/138	-	-





PROYECTO: Verificación de la presencia de cultivos de maíz transgénico en el Valle de Barranca

COLABORADORES:

JUVP: Alejandro Flores, Sectoristas y Agricultores.

A.A. Barranca: Miguel Melgarejo, Luis Palomino y Pedro Marcelo.

GRNMA-Gobierno Regional de Lima: Luis Castillo Polo, Antonio Tejada, Milagros Coral.

INIA: Jorge Alcántara, Fernando Rimachi, Lina Bernaola*, Miguel Peña, Yeny Aquino, Ricardo Lengua.





1. Titulo del Proyecto:

"VERIFICACIÓN DE LA PRESENCIA DE MAÍZ (Zea mays L.) TRANSGÉNICO EN EL VALLE DE BARRANCA".

2. Antecedentes del estudio:

Con el inminente desarrollo de la biotecnología moderna y su aplicación en la generación de variedades de cultivos modificados por ingenieria genética en las especies vegetales de importancia mundial se ha establecido una nueva revolución agrícola. Actualmente, la adopción de los cultivos genéticamente modificados (GM) o "transgénicos" se está incrementando a nivel mundial, en especial en Latinoamérica donde sólo 3 países: Ecuador, Venezuela y Perú, no han oficialmente autorizado la siembra de éstos cultivos en su territorio.

Los estudios sobre los impactos en el ambiente y en particular sobre la biodiversidad por la adopción de los cultivos GM son limitados en nuestro contienete, donde la conservación de la megadiversidad es estratégica y prioritaria en la mayoría de países de la región, como el Perú. Por ello, se han implementado una serie de normatividades a nivel nacional e internacional para Regular, Administrar y Controlar los posibles riesgos derivados por el desarrollo de las actividades relacionadas con los Organismos Vivos Modificados (OVM).

En el Perú el INIA ha sido designado, mediante Ley 27104 y su Replamento (DS 108-2002), como el Organo Sectorial Competente en el sector agricultura para regular, administrar y controlar los riesgos derivados del uso confinado y liberación al ambiente de los OVM o "transgenicos". Razón por la cual, toda persona que pretenda realizar actividades de: Investigación, Producción, Introducción, Manipulación, Transporte, Almacenamiento, Conservación, Intercambio, Conneccialización, Uso Confinado y Liberación, con OVM bajo condiciones controladas, deberá solicitar su Inscripción y el Registro del OVM forganismo transgenico) anne el Instituto Nacional del Innovación Agraria (INIA).

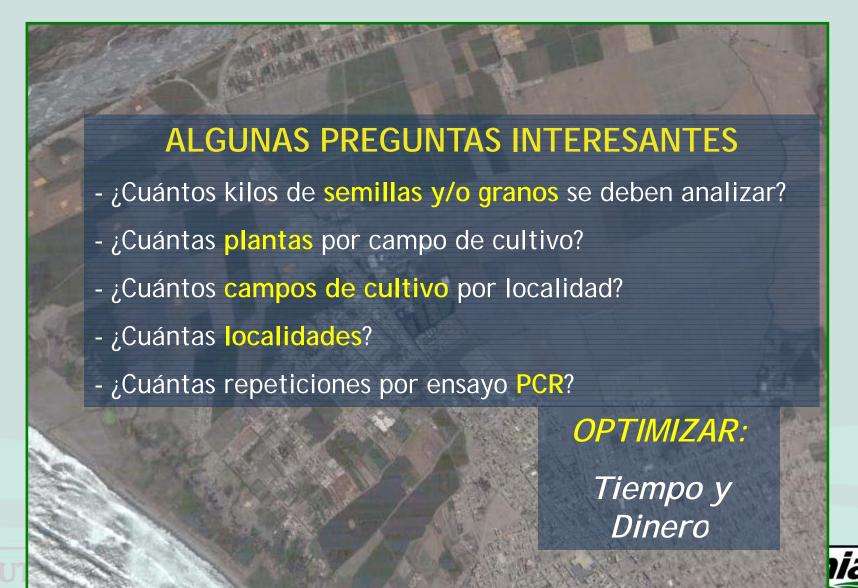




II. OBJETIVOS

- a) Detectar la presencia de cultivos de maíz genéticamente modificado en la provincia de Barranca.
 - Identificar la presencia del promotor P-35S y T-nos provenientes de maíz genéticamente modificado.
- b) Evaluar cualitativamente la presencia de los eventos NK 603 y Bt-11 provenientes de maíz genéticamente modificado en los campos de cultivo de la provincia de Barranca.
 - Identificar la presencia de las proteínas CP4 EPSPS y CP4 EPSPS L214P provenientes del evento NK 603 en muestras de hojas de maíz, mediante tiras reactivas.
 - Identificar la presencia del gen CP4 EPSPS y CP4 EPSPS L214P proveniente del evento NK 603 en muestras de hojas y granos de maíz, por amplificación con iniciadores específicos.
 - Identificar la presencia de las proteínas Bt (Cry1Ab) provenientes del evento Bt-11 en muestras de hojas de maíz, mediante tiras reactivas.
 - Identificar la presencia del gen Bt (Cry1Ab) provenientes del evento Bt-11 en muestras de hojas y granos de maíz, por amplificación PCR con iniciadores específicos.

1. Tamaño de Muestra.



1. Tamaño de Muestra.

PROBABILIDAD DE DETECCIÓN: $Pd=1-(1-p)^{mS}$

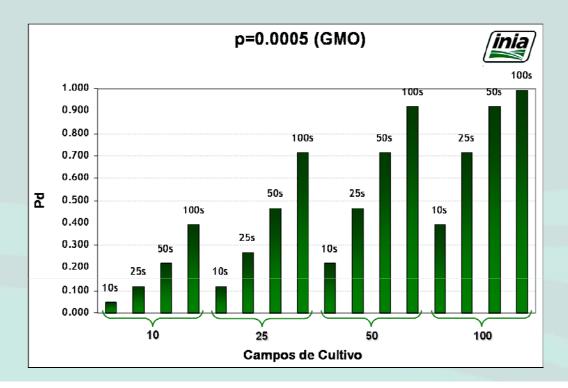
(Lockwood et. al, 2007)

Pd = Probabilidad de detección

p = Frecuencia "Uniforme" del OGM

m = Campos o lotes de semillas muestreados

S = Cantidad de Individuos o "2n" alelos muestreados







1. Tamaño de Muestra.

Modelo de Análisis: Campo de Cultivo como Unidad Experimental

Tamaño de la Muestra: Para Variable Categórica con Tamaño de Población Finito.

TAMAÑO MUESTRAL

Basado en una variable categórica con marco muestral conocido

$$n = \frac{N * Z_{1-\alpha}^{2} * p * q}{d^{2} * (N-1) + Z_{1-\alpha}^{2} * p * q}$$

n	Tamaño Muestra	??	
N	Tamaño Población	2100	n = 130
р	Prevalencia	0.1	11 = 130
q	1-p	0.9	
d	Precisión	0.05	
α	Nivel de significancia	5%	
1-α	Nivel de confianza	95%	
7 (1-\alpha)	Valor tinificado	1 96	





1. Tamaño de Muestra.

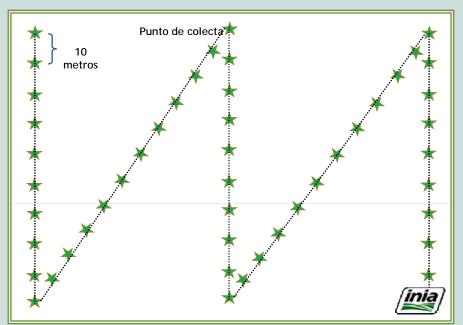
Se muestrearon 134 campos de cultivo, pertenecientes a la Junta Usuarios del Valle de Pativilca y Fortaleza.

COMISION REGANTES	CAMPOS DE CULTIVO	ÁREA SEMBRADA	CAMPOS EVALUADOS
ARAYA	152	281.39	9
CHACARITA PUERTO	145	379.17	9
GALPON	103	101.35	8
HUANCHAY	4	5.00	2
HUARANGAL ANTIVAL	115	54.22	7
HUAYTO	239	503.83	17
LA VEGA-OTOPONGO	163	147.89	7
LLAMACHUPAN	51	55.56	3
PARAMONGA	274	255.46	9
PAYCUAN	107	244.53	6
РОТАО	212	447.33	11
PURMACANA	144	346.53	17
SAN NICOLAS	143	249.11	15
SANTA ELENA	45	111.63	2
VENADO MUERTO	38	77.84	1
VINTO	166	362.52	6
VALLE FORTALEZA			4
TOTAL	2101	3623.36	134

PROCEDENCIA DE MATERIAL	TIPO	CANTIDAD
Campo de cultivo	Hoja	134
Campo de cultivo	Grano	4
Centros de acopio	Grano	8
Semillera	Semilla	2
Mercados locales	Grano	16
	ΤΟΤΔΙ	164



1. Tamaño de Muestra.



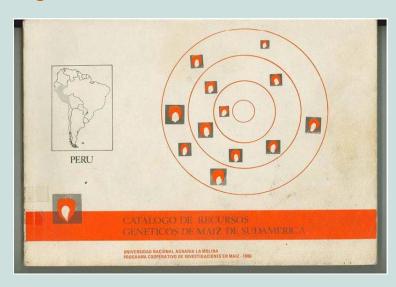




Se colectaron 50 plantas por campo de cultivo o 2000 granos (semillas) correspondientes a 100 mazorcas, en cada zona de secado o centro de acopio.

2. Distribución espacial de la variabilidad genética de maíz en el Perú.

¿CÓMO LA MAPEAMOS?



Catálogo del Germoplasma de Maíz del Perú

(1986)

Ricardo Sevilla

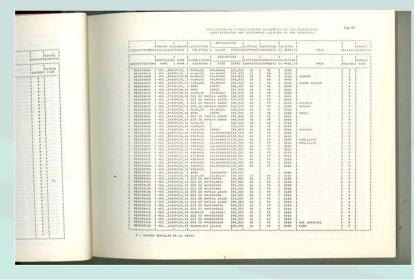
Felipe de Mendiburu

Hugo Ángeles

2524 registros

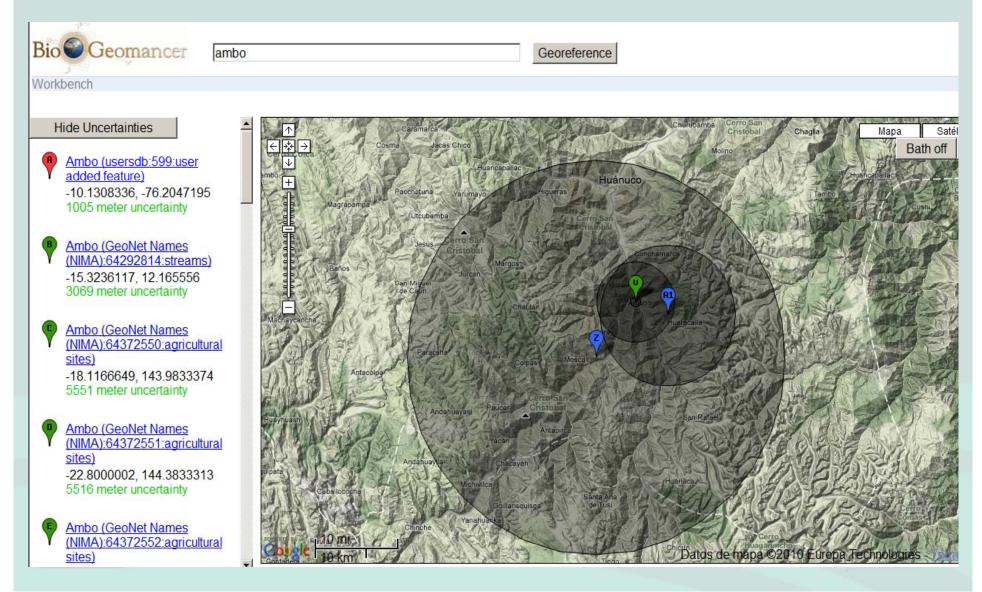
 49 razas de maíz reportadas

•1146 registros con nombres de razas

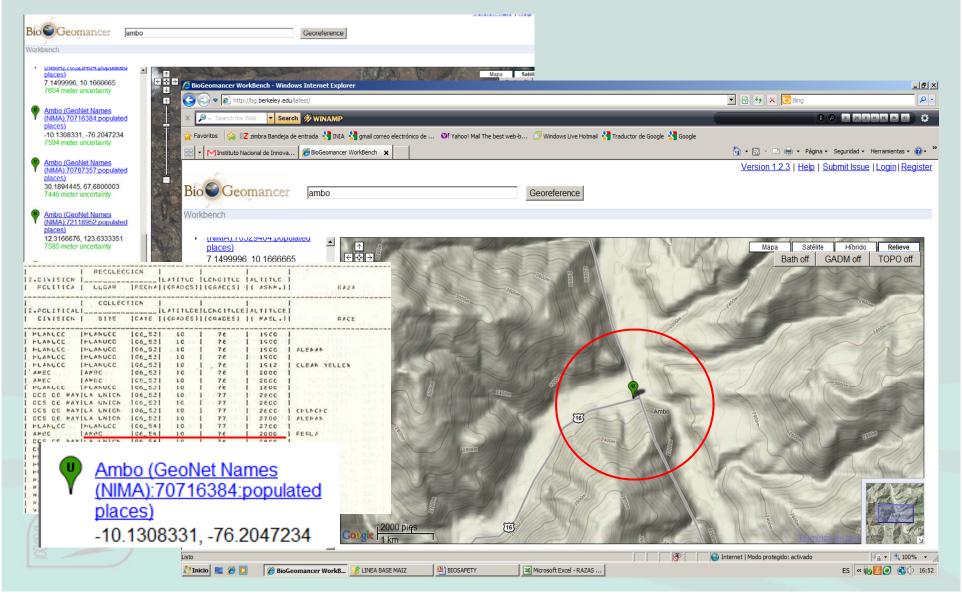




2. Distribución espacial de la variabilidad genética de maíz en el Perú.

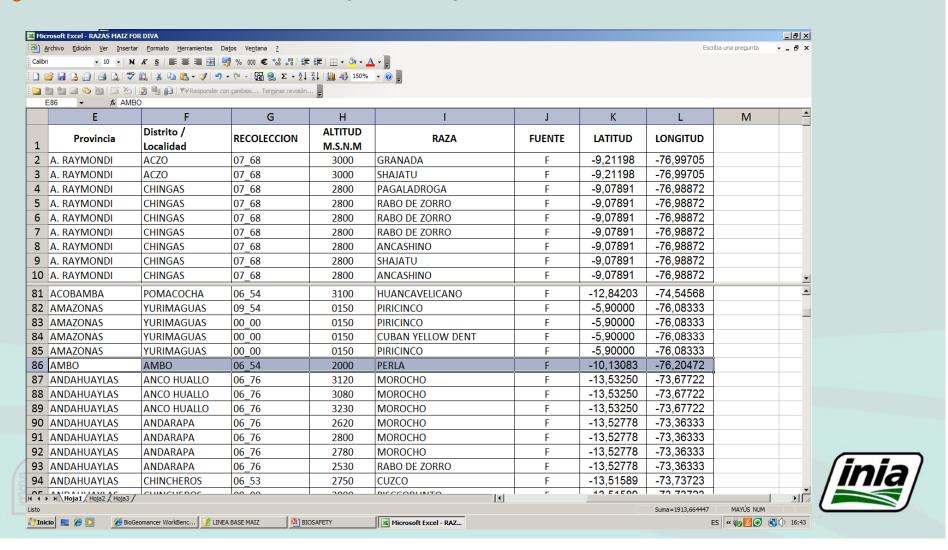


2. Distribución espacial de la variabilidad genética de maíz en el Perú.



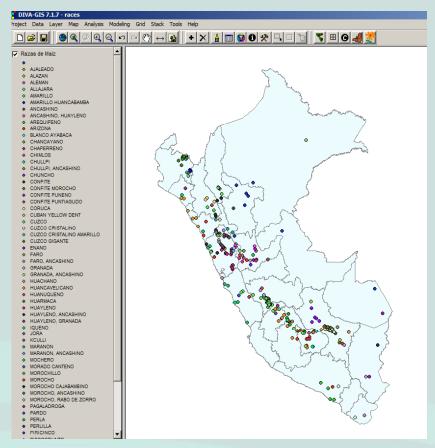
2. Distribución espacial de la variabilidad genética de maíz en el Perú.

¿CÓMO LA MAPEAMOS? Repetir la Operación: 2524 VECES

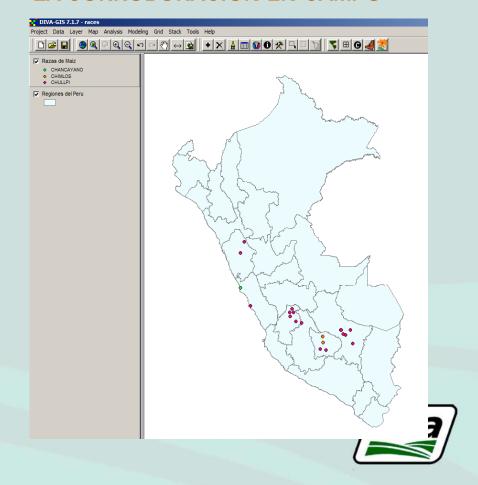


2. Distribución espacial de la variabilidad genética de maíz en el Perú.

LA CORROBORACIÓN CON LOS EXPERTOS

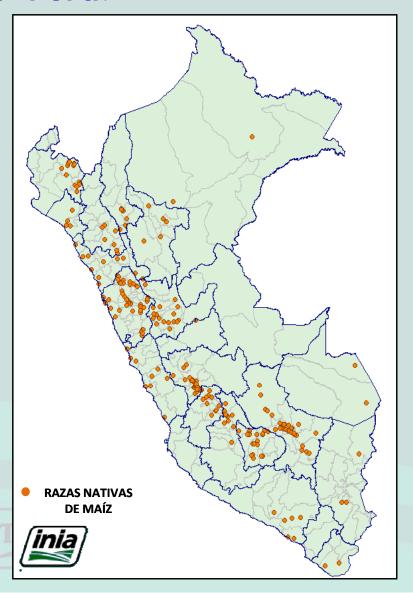


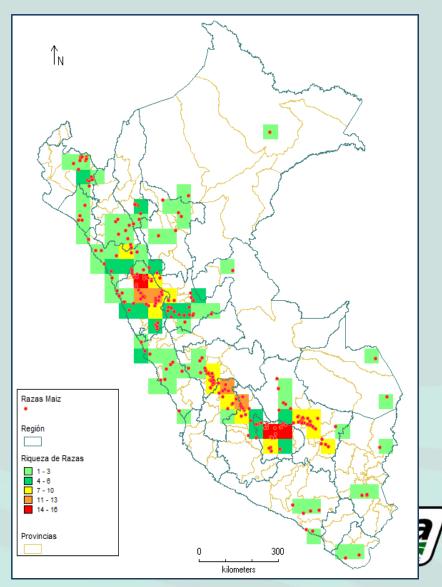
LA CORROBORACIÓN EN CAMPO



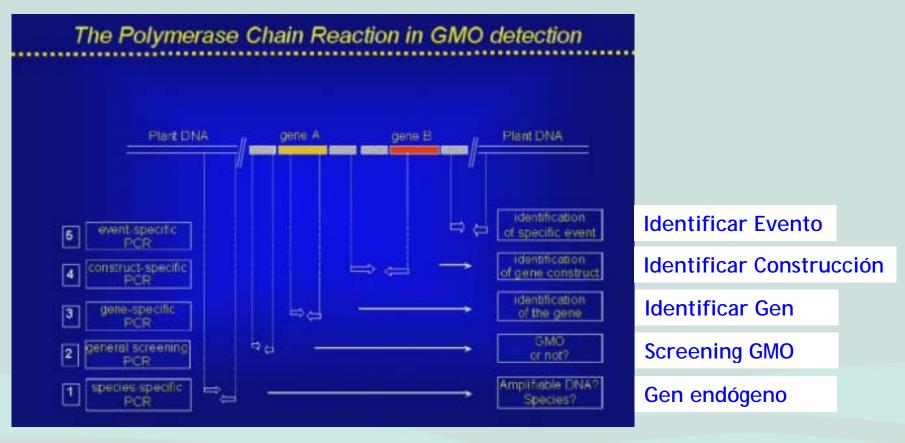


2. Distribución espacial de la variabilidad genética de maíz en el Perú.





3. Detección cualitativa del promotor P-35S mediante PCR



Fuente: European Commission DG Joint Research Center: The JRC's advance training series - Detecting GMO's (2005).





3. Detección cualitativa del promotor P-35S mediante PCR

Iniciadores empleados para el análisis por PCR

	Iniciador	Secuencia	Tamaño de producto (pb)	Elemento blanco	Referencia
Endógeno	ZEIN01	TGCTTGCATTGTTCGCTCTCCTAG	392	Gen zeina	GMDD
Lilaogeno	ZEIN02	GTCGCAGTGACATTGTGGCAT	002		
	P35S F	ATTGATGTGATATCTCCACTGACGT	101	Promotor 35S	GMDD
	P35S R	CCTCTCCAAATGAAATGAACTTCCT	101	Promotor 355	GWIDD
Screening	P35SL	GATAGTGGGATTGTGCGTCA	195	Promotor 35S	GMDD
Screening	P35SU	GCTCCTACAAATGCCATCA	195	1 Tolliotol 330	GWIDD
	Tnos F	GTCTTGCGATGATTATCATATAATTTCTG	151	Terminador nos	GMDD
	Tnos R	CGCTATATTTTGTTTTCTATCGCGT	131		
	VW01	TCGAAGGACGAAGGACTCTAACG	170	Entre DNA de maíz y del promotor CaMV en maíz MON810	GMDD
	VW03	TCCATCTTTGGGACCACTGTCG	170		
	T25R3	TGAGCGAAACCCTATAAGAACCC	209	Terminador CaMV en el gen PAT de maíz T24	GMDD
	T25F7	ATGGTGGATGGCATGATGTTG			O.II.D.D
Ecocófico	IVS2	CTGGGAGGCCAAGGTATCTAAT	189	Intron IVS2 en el gen PAT del maíz BT11	GMDD
Específico	PATB	GCTGCTGTAGCTGGCCTAATCT	109		
	NK-R393	GAGAGATTGGAGATAAGAGATGGGTTC	231	Entre el gen de la proteína 70 y gen del péptido 2 del cloroplasto en maíz NK603	Loo et al 2004
	NK-F163	CCTCCTGATGGTATCTAGTATCTACCAACT	231		Lee, et al 2004
	GA21 F	ACGGTGGAAGAGTTCAATGTATG	270	Entre OTP/sense y m-epsps/anti- sense en maíz GA21	CHIUEH, et al 2002
	GA21 R	TCTCCTTGATGGGCTGCA	2.0		/

3. Detección cualitativa del promotor P-35S mediante PCR

Condiciones para PCR:

Método: Múltiplex ; iniciador para gen endógeno +

iniciadores para secuencias específicas

Volumen final: 25 ul

ADN: 50 ng

Taq HotStar (QIAGEN): 06 U

Reacción de PCR

Reactivo	Concentración Final
Agua (QIAGEN)	
BUFFER (QIAGEN)	1 X
dNTPs (QIAGEN)	0.2 / 0.22 mM
MgCI2 (QIAGEN)	1.0 / 1.5 mM
PRIMER (INVITROGEN)	0.22 / 0.25 μM

Programa de amplificación

Etapas	Temperatura (C°)	Tiempo	Ciclos
Predenaturación y/o activación	95	5 / 7 min.	1
Denaturación	94	30 / 45 s	
Annealing	60 / 63	45 s	40 / 43
Extensión	72	30 / 45 s	
Extensión final	72	7 min.	1

Área de PCR



Termociclador





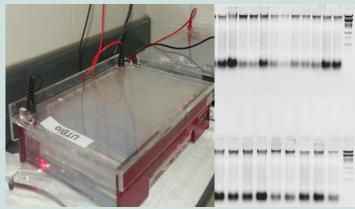
3. Detección cualitativa del promotor P-35S mediante PCR

Etapas realizadas para obtener los resultados del análisis PCR

A. Extracción de ADN



B. Cuantificación y dilución de ADN



C. Preparación del ADN (bulk)



D. Amplificación de ADN por PCR

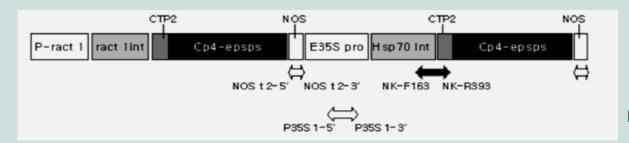


E. Electroforesis y registro del producto amplificado

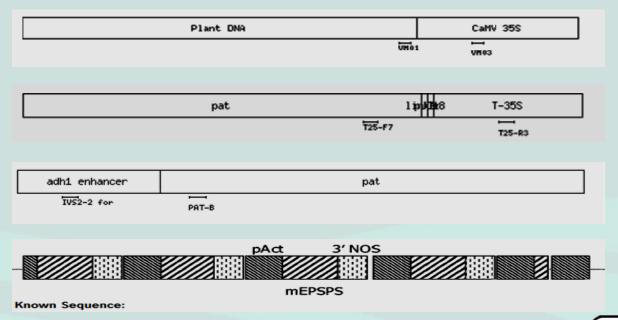


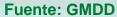
4. Detección cualitativa de los eventos específicos por PCR

Regiones blanco de los iniciadores empleados para detección de maíz transgénico



Fuente: Lee, et al. 2004









5. Detección cualitativa de proteínas de eventos específicos

Detección de las proteínas recombinantes: Cry 1Ab/1Ac y Roundup Ready por inmunoensayos.

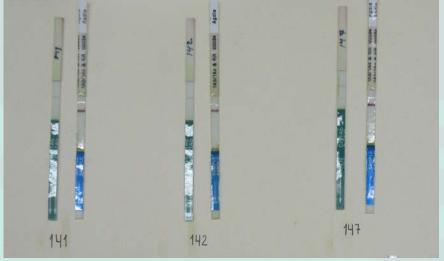






Bt-Cry1Ab/1Ac Roundup Ready





Linea de control
Bt-Cry1Ab/1Ac



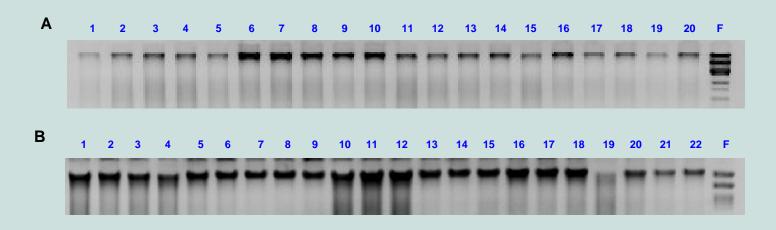
1. Detección cualitativa del promotor P-35S mediante PCR

Calidad de ADN de muestras de Maíz.

A: ADN extraído a partir de hojas secas,

B: ADN extraído a partir de hojas fresca de maíz,

C: ADN extraído a partir de harina de maíz,



INIA
 1

Muestras	N°
Hojas secas (campos)	132
Hojas frescas (muestras de mercado)	30
Harina de maíz	3
Total	165





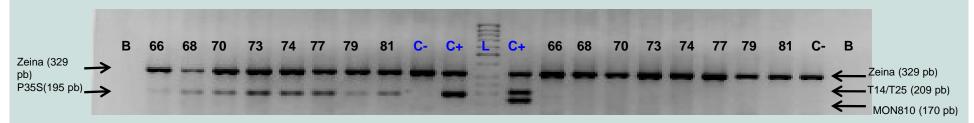
1. Detección cualitativa del promotor P-35S y eventos específicos mediante PCR.

Perfiles electroforéticos para el promotor 35S y para los eventos T14/T25, MON810, BT11 y NK603, provenientes de campos de cultivo.

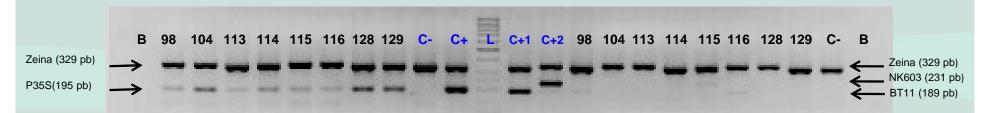
HOJAS

C: Lado izquierdo: muestras positivas para P35S,

C: Lado derecho: muestras negativas para T14/T25 y MON810.



D: Lado izquierdo: muestras positivas para P35S, D: Lado derecho: negativas para Bt11 y NK603.





L: Ladder (50 pb),

B: Blanco,

C-: Control negativo (maíz amarillo duro INIA 611),

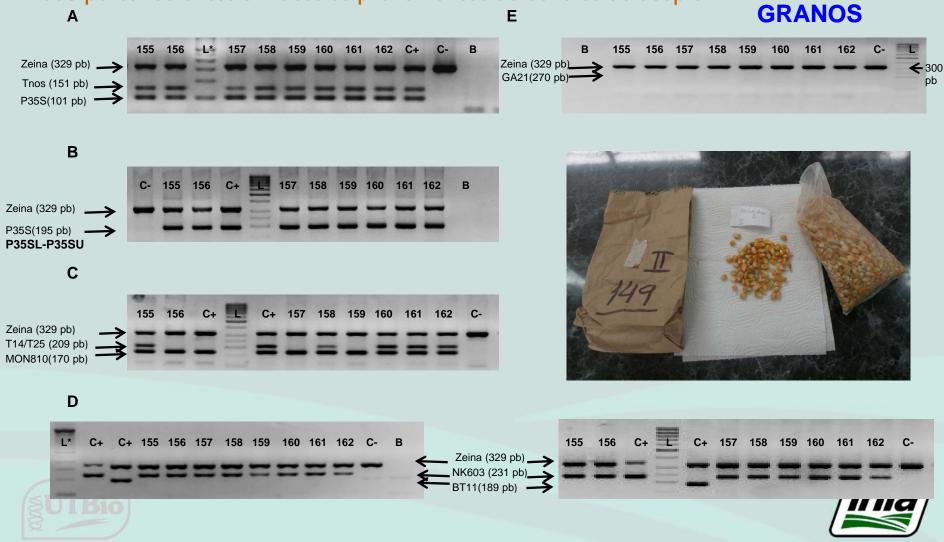
C+: Control positivo (maíz Bt INTA),

C+: Control positivo para T14/T25 y MON 810



1. Detección cualitativa del promotor P-35S mediante PCR

Perfiles electroforéticos para el promotor 35S y para los eventos T14/T25, MON810, Bt11 y NK603 pertenecientes a muestras provenientes de centros de acopio.



1. Detección cualitativa del promotor P-35S mediante PCR

Cuadro resumen de los resultados del análisis de detección de maíz transgénico en muestras colectadas en el Valle de Barranca

	T nos	P 35S	T14/T25	MON810	NK603	BT11
Positivos	No	Sí	5	8	8	1
No amplificaron	7	7	11	11	18	18
No determinadas	0	17	0	0	0	0
	116	116	116	116	116	116

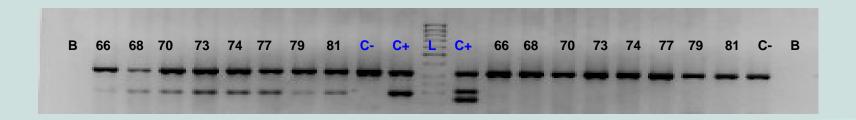
Los eventos positivos detectados (en color rojo) corresponden únicamente a las muestras de grano de maíz colectados en los Centro de Acopio de las empresas avícolas.





CONCLUSIONES

- 1. Se ha detectado la presencia de los promotores P-35S (P35S y P35SU+P35SL) en las muestras de maíz provenientes de los campos de cultivo del valle de Barranca.
- 2. No se ha detectado la presencia de las proteínas CP4 EPSPS y CP4 EPSPS L214P pertenecientes al evento NK 603.
- 3. No se ha detectado la presencia de las proteínas Bt (Cry1Ab) pertenecientes al evento Bt-11.
- 4. No se ha detectado la presencia de los eventos específicos NK 603, ni Bt-11.





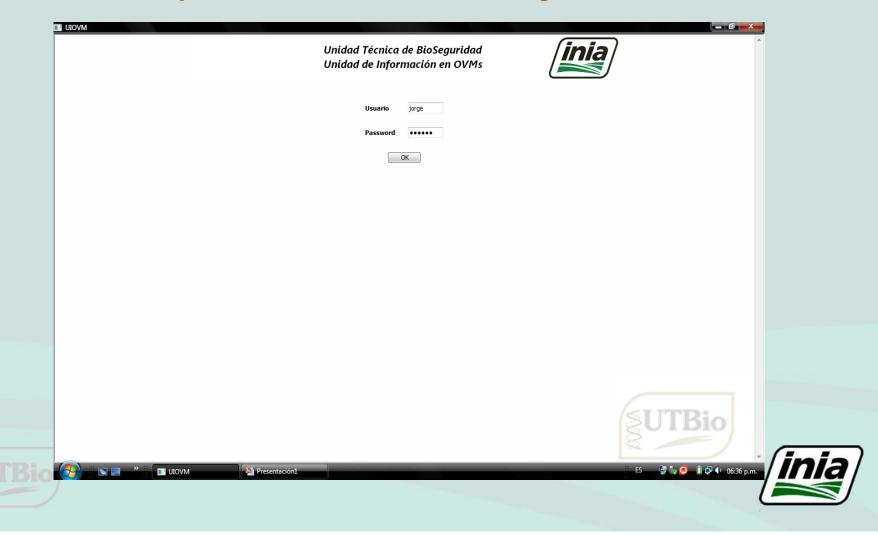


- 1. Identificar los eventos específicos en las muestras que amplifican para las regiones del promotor P35S en las muestras de maíz provenientes de los campos de cultivo del valle de Barranca.
- 2. Remitir las contramuestras hacia laboratorios de detección de OVM en el extranjero para confirmar nuestros resultados.
- 3. Solicitar la inmediata aprobación del Reglamento Sectorial de Bioseguridad, que nos permita implementar debidamente los procedimientos en el TUPA del INIA, para evitar la informalidad de los cultivos GM.

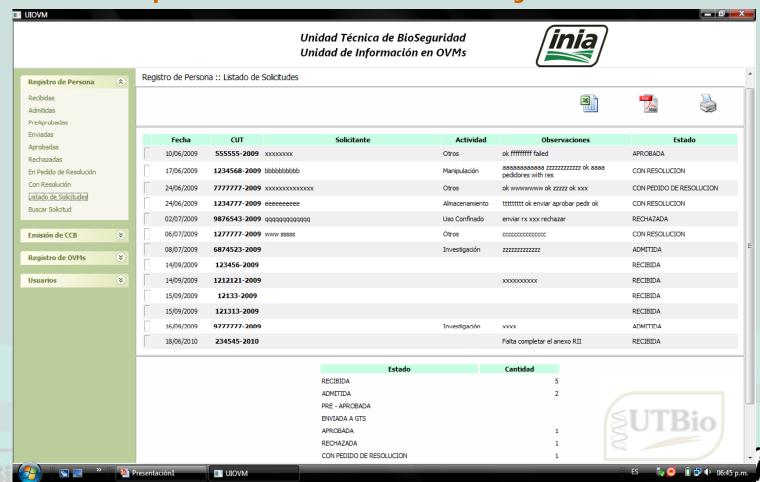




Aplicativo web para la sistematización de la información y coordinación efectiva entre el OSC de Agricultura, su respectivo GTS, ADUANAS y el BCH.



Aplicativo web para la sistematización de la información y coordinación efectiva entre el OSC de Agricultura, su respectivo GTS, ADUANAS y el BCH.



PROYECTO DE REGLAMENTO SECTORIAL DE AGRICULTURA SOBRE BIOSEGURIDAD

CONSENSUADO ENTRE REPRESENTANTES DEL INSTITUTO NACIONAL DE INNOVACION AGRARIA-INIA DEL MINISTERIO DE AGRICULTURA Y DEL MINISTERIO DEL AMBIENTE

SEPTIEMBRE, 03 DEL 2009

Artículo 1º Objeto	DPUESTA DE REGLAMENTO INAM – MINAG - MINAM	Última Versión INIA rev MINAM (31ago2009)	UV MINAM-INIA 3-09-09
·			
normar las actividades can Organismos Vivos Modificados - en adelante OVM- agropecuarios o forestales y/o sus productos derivados para usos agropecuarios o forestales, de modo tal que dichas actividades se desarrollen sin	uarios o forestales, de modo tal nas actividades se desarrollen sin la salud humana y la diversidad	El presente reglamento tiene por objeto normar las actividades con Organismos Vivos Modificados – en adelante OVMsagropecuarios o forestales y/o sus productos derivados para usos agropecuarios o forestales, de modo tal que dichas actividades se desarrollen sin afectar la salud humana y la diversidad biológica.	El presente reglamento tiene por objeto normar las actividades con Organismos Vivos Modificados – en adelante OVM-agropecuarios o forestales y/o sus productos derivados para usos agropecuarios o forestales, de modo tal que dichas actividades se desarrollen sin afectar la salud humana y la diversidad biológica.
autorización de las actividades de investigación producción, introducción, manipulación, conservación, intercambio, comercialización, uso confinado y liberación de OVM agropecuarios o forestales y/o sus productos derivados para usos agropecuarios o forestales. 1.2 Regular los procedimientos para la autorización de uso de los OVM agropecuarios o forestales y/o sus	to y liberación de OVM uarios o forestales y/o sus os derivados para usos uarios o forestales.	Son objetivos específicos: 1.1 Regular los procedimientos para la autorización de las actividades de investigación, producción, introducción, transporte, almacenamiento, conservación, uso confinado y liberación de OVMs agropecuarios o forestales y/o sus productos derivados para usos agropecuarios o forestales. 1.2 Regular los procedimientos para la autorización de uso de los OVMs	Son objetivos específicos: 1.1 Regular los procedimientos para la autorización de las actividades de investigación, producción, introducción, manipulación, transporte, almacenamiento, conservación, intercambio, comercialización, uso confinado y liberación de OVM agropecuarios o forestales y/o sus productos derivados para usos agropecuarios o forestales.

URGE APROBAR LOS REGLAMENTOS SECTORIALES DE BIOSEGURIDAD QUE YA FUERON DEBATIDOS Y CONSENSUADOS ENTRE EL MINAG Y EL MINAM







COMPONENTE REGULACIÓN DE LA SEGURIDAD DE LA BIOTECNOLOGÍA AGRARIA

INSTITUTO NACIONAL DE INNOVACIÓN AGRARIA

jalcantara@inia.gob.pe

Irimachi@inia.gob.pe



